

(19) 世界知的所有権機関  
国際事務局



(43) 国際公開日  
2003 年 11 月 6 日 (06.11.2003)

PCT

(10) 国際公開番号  
WO 03/091424 A1

- (51) 国際特許分類<sup>7</sup>: C12N 15/00, C07K 16/44, C12N 5/10, C12P 21/08, C12Q 1/02, G01N 33/50, 33/15, A61K 39/395, A61P 25/00, 37/00
- (74) 代理人: 清水 初志, 外 (SHIMIZU, Hatsushi et al.); 〒300-0847 茨城県 土浦市 卸町 1-1-1 関鉄つくばビル 6 階 Ibaraki (JP).
- (21) 国際出願番号: PCT/JP03/05372
- (81) 指定国 (国内): AE, AG, AL, AM, AT, AU, AZ, BA, BB, BG, BR, BY, BZ, CA, CH, CN, CO, CR, CU, CZ, DE, DK, DM, DZ, EC, EE, ES, FI, GB, GD, GE, GH, GM, HR, HU, ID, IL, IN, IS, JP, KE, KG, KR, KZ, LC, LK, LR, LS, LT, LU, LV, MA, MD, MG, MK, MN, MW, MX, MZ, NI, NO, NZ, OM, PH, PL, PT, RO, RU, SC, SD, SE, SG, SK, SL, TJ, TM, TN, TR, TT, TZ, UA, UG, US, UZ, VC, VN, YU, ZA, ZM, ZW.
- (22) 国際出願日: 2003 年 4 月 25 日 (25.04.2003)
- (25) 国際出願の言語: 日本語
- (26) 国際公開の言語: 日本語
- (30) 優先権データ:  
特願2002-127260 2002 年 4 月 26 日 (26.04.2002) JP
- (84) 指定国 (広域): ARIPO 特許 (GH, GM, KE, LS, MW, MZ, SD, SL, SZ, TZ, UG, ZM, ZW), ユーラシア特許 (AM, AZ, BY, KG, KZ, MD, RU, TJ, TM), ヨーロッパ特許 (AT, BE, BG, CH, CY, CZ, DE, DK, EE, ES, FI, FR, GB, GR, HU, IE, IT, LU, MC, NL, PT, RO, SE, SI, SK, TR), OAPI 特許 (BF, BJ, CF, CG, CI, CM, GA, GN, GQ, GW, ML, MR, NE, SN, TD, TG).
- (71) 出願人 (米国を除く全ての指定国について): 中外製薬株式会社 (CHUGAI SEIYAKU KABUSHIKI KAISHA) [JP/JP]; 〒115-8543 東京都 北区 浮間 5 丁目 5 番 1 号 Tokyo (JP).
- (72) 発明者: および
- (75) 発明者/出願人 (米国についてのみ): 小嶋 哲郎 (KOJIMA, Tetsuo) [JP/JP]; 〒412-8513 静岡県 御殿場市 駒門 1 丁目 1 3 5 番地 中外製薬株式会社内 Shizuoka (JP). 妹尾 千明 (SENOO, Chiaki) [JP/JP]; 〒412-8513 静岡県 御殿場市 駒門 1 丁目 1 3 5 番地 中外製薬株式会社内 Shizuoka (JP).
- 添付公開書類:  
— 国際調査報告書
- 2 文字コード及び他の略語については、定期発行される各 PCT ガゼットの巻頭に掲載されている「コードと略語のガイダンスノート」を参照。

(54) Title: METHOD OF SCREENING AGONISTIC ANTIBODY

WO 03/091424 A1

(54) 発明の名称: アゴニスト抗体のスクリーニング方法

(57) Abstract: An agonistic antibody can be efficiently screened by superinfecting a cell strain, which proliferates depending on a ligand (factor), with antibody libraries respectively to various receptor chains and collecting an antibody gene from an autonomously growing strain by autocrine of an agonistic antibody formed from an appropriate combination. Since antibodies are used as libraries in this method, the screening can be performed efficiently and conveniently without resort to troublesome operations.

(57) 要約: リガンド (因子) に依存して増殖する細胞株に多種の受容体鎖それぞれに対する抗体ライブラリーを重感染させ、適切な組み合わせによって生じるアゴニスト抗体のオートクラインによる自律増殖株から抗体遺伝子を回収することにより、効率的にアゴニスト抗体をスクリーニングすることができる。該方法は、抗体をライブラリーとして用いることにより、効率的にスクリーニングを行うことができ、さらに、操作も簡便であり、煩雑な作業を必要としない。

-1-

## 明細書

## アゴニスト抗体のスクリーニング方法

## 5 技術分野

本発明は、アゴニスト抗体の新規スクリーニング方法に関する。

背景技術

抗体は血中での安定性が高く、抗原性もないことから医薬品として注目されている。その中でも二種類の抗原を同時に認識できる bispecific 抗体が提唱されて久しいが、現状では二種類の抗原を単に繋ぐのみである。しかし抗体は抗原中の特定のエピトープに結合するため、適当な抗体の組み合わせを選べば2つの抗原を望む距離・角度に配位することが出来ると考えられる。

多くのサイトカインの受容体はリガンドが結合することによってホモ・ヘテロ二量体を形成する鎖間の距離・角度が変化して細胞内にシグナルを伝えうるようになると考えられている。つまり適当な抗受容体抗体はリガンドによる受容体の二量体化を模倣でき、アゴニスト抗体となりうる。既にホモ二量体から成る MPL に対してアゴニスト作用を示すモノクローナル抗体が報告されている (Blood 199 8 Sep 15;92(6):1981-8・US98/17364)。ただし、このようなアゴニスト抗体を得るためには膨大な種類の抗体から選択する必要があり、効果的な選択方法が求められる。

従来は、抗原つまり受容体鎖に結合する抗体を選択し、そのリガンドに反応する適当な細胞アッセイ系に抗体を加えることによって検定しなければならなかった。ヘテロ二量体を形成する受容体の場合はさらに煩雑になり、受容体を構成する二種の鎖 (A, B) それぞれに対する抗体を選択し、あらゆる A, B の組み合わせについてひとつひとつ検定を行わなければならない。また二価抗体を産生させる

-2-

ためには、抗体産生ハイブリドーマ同士の融合、もしくは全ての抗体についての発現ベクターの作製・全ての組み合わせでの細胞への導入が必要になる。A, B鎖それぞれに対する抗体を 100 種類ずつ検討すると 10000 通りの組み合わせの検定が必要になり、L 鎖、H 鎖合わせて 400 種類の発現ベクターの作成、10000 回の細胞への導入が必要になる。Bispecific diabody としてファージ上に提示させたライブラリーを用いる方法もあるが、大腸菌の培養上清を直接細胞培養系に加えることは細胞に対する影響があるため精製が必要となる上、monospecific diabody の混入（理論上 50%）は避けられない。

#### 10 発明の開示

本発明は、このような状況に鑑みてなされたものであり、その目的は、アゴニスト抗体、特にアゴニスト多種特異性抗体の効率的な新規スクリーニング方法を提供することにある。より詳しくは、細胞のオートクライン増殖を利用したアゴニスト抗体のスクリーニング方法の提供を目的とする。

15 本発明者らは上記の課題を解決するために鋭意研究を行った結果、以下のような効果的なアゴニスト抗体のスクリーニング方法を開発した。この方法とは、リガンドに依存して増殖する細胞株に受容体に対する抗体ライブラリーを感染させ、アゴニスト抗体のオートクラインによる自律増殖株から抗体遺伝子を回収し、該遺伝子を基にアゴニスト抗体を作製する方法である。抗体がアゴニスト多種特異性抗体の場合には、リガンドに依存して増殖する細胞株に多種の受容体鎖それぞれに対する抗体ライブラリーを重感染させ、適切な組み合わせによって生じるアゴニスト多種特異性抗体のオートクラインによる自律増殖株から抗体遺伝子を回収し、該遺伝子を基にアゴニスト多種特異性抗体を作製する。より具体的には例えば以下のようにして行うことができる。

25 まず、マウスに受容体の A 鎖、B 鎖それぞれを免疫する。この動物の脾細胞から mRNA を抽出し、マウスの CDR に対応するプライマーを用いて RT-PCR にて L 鎖、

-3-

H鎖の可変領域を回収する。assembly PCRにて一本鎖 Fv(scFv)を合成し、ファージライブラリーを構築する。パンニングによって抗原結合抗体クローンを濃縮し、その一本鎖可変領域を動物細胞用のシグナル配列と CH1-hinge-CH2-CH3 の間に挿入し、レトロウイルス用のプラスミドに組み込んだライブラリーを作製する。

- 5 目的の受容体鎖と G-CSFR の細胞内領域とのキメラ鎖を発現させることにより、そのリガンドで増殖できるようにした Ba/F3 細胞を用意し、抗 A 鎖抗体ライブラリーウイルスを感染させる。さらに抗 B 鎖抗体ウイルスライブラリーを感染させ、因子を洗浄・除去し培養する。因子依存的に増殖してきた細胞を回収し、クローニングを行い、その培養上清を用いて生理的なアッセイ系にて活性を確認する。
- 10 PCRにてクローンの染色体に組み込まれている抗体 CDR 遺伝子を回収し、アゴニスト多種特異性抗体の産生に供する。この方法は、抗体をライブラリーとして用いることにより、効率的にスクリーニングを行うことができ、さらに、操作も簡便であり、煩雑な作業を必要としない。

- 上記の如く本発明者らは、アゴニスト抗体を効率的にスクリーニングできる新規な方法を開発し、本発明を完成させた。
- 15

即ち本発明は、アゴニスト多種特異性抗体の効率的な新規スクリーニング方法に関し、より具体的には、

[1] 以下の工程 (a) ~ (c) を含む、アゴニスト抗体のスクリーニング方法、

- 20 (a) 被験抗体、および多量体を形成する受容体を発現する細胞であって、該受容体の因子に依存して増殖する細胞を提供する工程
- (b) 細胞がオートクライン自律増殖する場合に、被験抗体はアゴニスト作用を有するものと判定する工程
- (c) アゴニスト作用を有する抗体を選択する工程

- 25 [2] 工程 (a) の細胞が、受容体をコードする遺伝子および被験抗体の軽鎖をコードする遺伝子が導入された細胞であり、さらに、被験抗体の重鎖をコー

ドする遺伝子を導入する工程を含む、〔１〕に記載の方法、

〔３〕 受容体が、細胞増殖シグナルを発する機能を有するタンパク質とのキメラ受容体である〔１〕または〔２〕に記載の方法、

〔４〕 受容体が、二量体を形成する受容体である〔１〕～〔３〕のいずれかに記載の方法、

〔５〕 二量体を形成する受容体が、ホモ二量体を形成する受容体である〔４〕に記載の方法、

〔６〕 二量体を形成する受容体が、ヘテロ二量体を形成する受容体である〔４〕に記載の方法、

〔７〕 細胞増殖シグナルを発する機能を有するタンパク質がＧ－ＣＳＦ受容体である、〔１〕～〔６〕のいずれかに記載の方法、

〔８〕 抗体ライブラリーを、細胞へ導入することを特徴とする、〔１〕～〔７〕のいずれかに記載の方法、

〔９〕 抗体ライブラリーがレトロウイルス抗体ライブラリーである、〔８〕に記載の方法、

〔１０〕 被験抗体が多種特異性抗体である〔１〕～〔９〕のいずれかに記載の方法、

〔１１〕 被験抗体の重鎖可変領域と軽鎖可変領域がリンカーで結ばれていることを特徴とする〔１０〕に記載の方法、

〔１２〕 可変領域がリンカーで結ばれている抗体が、以下の工程（ａ）～（ｃ）を含む方法により作製されることを特徴とする、〔１１〕に記載の方法、

（ａ）第一の受容体鎖に対する一本鎖Ｆｖを作製する工程

（ｂ）該一本鎖ＦｖをＣＨ１－ｈｉｎｇｅ－ＣＨ２－ＣＨ３に結合させることにより、第一の受容体鎖に対する一本鎖抗体を作製する工程

（ｃ）工程（ｂ）で作製された一本鎖抗体を含む多種特異性抗体を作製する工程

〔１３〕 可変領域がリンカーで結ばれている抗体が、以下の工程（ａ）～

-5-

- (c) を含む方法により作製されることを特徴とする、〔11〕に記載の方法、
- (a) 第一の受容体鎖に対する一本鎖F a bを作製する工程、
- (b) 該一本鎖F a bをF cに結合させることにより、第一の受容体鎖に対する一本鎖抗体を作製する工程、
- 5 (c) 工程(b)で作製された一本鎖抗体を含む多種特異性抗体を作製する工程
- 〔14〕 以下の工程(a)～(c)を含む、アゴニスト多種特異性抗体のスクリーニング方法、
- (a) 第一の受容体鎖と第二の受容体鎖を有する受容体の、該第一の受容体鎖に結合し得る可変領域および該第二の受容体鎖に結合し得る可変領域を含む被験多
- 10 種特異性抗体を、該受容体に接触させる工程
- (b) 被験多種特異性抗体がアゴニスト作用を有するか否かを判定する工程
- (c) アゴニスト作用を有する抗体を選択する工程
- 〔15〕 受容体、および被験多種特異性抗体を同一の細胞で発現させることを特徴とする〔14〕に記載の方法、
- 15 〔16〕 細胞が、受容体の因子に依存して増殖する細胞である、〔15〕に記載の方法、
- 〔17〕 受容体が細胞増殖シグナルを発する機能を有する、〔15〕または〔16〕に記載の方法、
- 〔18〕 受容体が、細胞増殖シグナルを発する機能を有するタンパク質との
- 20 キメラ受容体である〔17〕に記載の方法、
- 〔19〕 細胞増殖シグナルを発する機能を有するタンパク質がG-C S F受容体である、〔18〕に記載の方法、
- 〔20〕 細胞がオートクライン自律増殖する場合に、被験多種特異性抗体はアゴニスト作用を有するものと判定される、〔15〕～〔19〕のいずれかに記
- 25 載の方法、
- 〔21〕 第一の受容体鎖および第二の受容体鎖に対するそれぞれの抗体ライ

ブラリーを、細胞へ導入する工程をさらに含む、〔15〕～〔20〕のいずれかに記載の方法、

〔22〕 抗体ライブラリーがレトロウイルス抗体ライブラリーである、〔21〕に記載の方法、

- 5      〔23〕 多種特異性抗体の軽鎖と重鎖の可変領域がリンカーで結ばれていることを特徴とする〔14〕～〔22〕のいずれかに記載の方法、

〔24〕 可変領域がリンカーで結ばれている多種特異性抗体が、以下の工程(a)～(c)を含む方法により作製されることを特徴とする、〔23〕に記載の方法、

- 10      (a) 第一の受容体鎖に対する一本鎖Fvを作製する工程

(b) 該一本鎖FvをCH1-hinge-CH2-CH3に結合させることにより、第一の受容体鎖に対する一本鎖抗体を作製する工程

(c) 工程(b)で作製された一本鎖抗体を含む多種特異性抗体を作製する工程

- 15      〔25〕 可変領域がリンカーで結ばれている多種特異性抗体が、以下の工程(a)～(c)を含む方法により作製されることを特徴とする、〔23〕に記載の方法、

(a) 第一の受容体鎖に対する一本鎖Fabを作製する工程、

(b) 該一本鎖FabをFcに結合させることにより、第一の受容体鎖に対する一本鎖抗体を作製する工程、

- 20      (c) 工程(b)で作製された一本鎖抗体を含む多種特異性抗体を作製する工程

〔26〕 多種特異性抗体のCH3に、アミノ酸置換によってKnobs-into-holesが導入されていることを特徴とする、〔14〕～〔25〕のいずれかに記載の方法、

- 25      〔27〕 多量体がヘテロ二量体である、〔14〕～〔26〕のいずれかに記載の方法、

〔28〕 多種特異性抗体が、二種特異性抗体である、〔14〕～〔27〕の

いずれかに記載の方法、

- [29] 以下の工程 (a) ~ (c) を含むアゴニスト抗体を製造する方法、  
(a) [1] ~ [28] のいずれかに記載の方法により、アゴニスト抗体をスクリーニングする工程、
- 5 (b) 工程 (a) のスクリーニングにより選択されるアゴニスト抗体をコードする遺伝子を宿主細胞へ導入する工程、  
(c) 工程 (b) の宿主細胞、または該細胞の培養液から、アゴニスト抗体を回収する工程
- [30] 抗体、および該抗体との結合により多量体化する受容体を発現する  
10 細胞であって、該受容体の因子に依存して増殖する細胞、
- [31] 受容体が、細胞増殖シグナルを発する機能を有するタンパク質とのキメラ受容体である [30] に記載の細胞、
- [32] 抗体が多種特異性抗体である [30] または [31] に記載の細胞、  
[33] 抗体との結合により多量体化した受容体が、細胞増殖シグナルを発  
15 する機能を有する、[30] ~ [32] のいずれかに記載の細胞、
- [34] 抗体の軽鎖と重鎖の可変領域がリンカーで結ばれ、かつ抗体の CH3 に、アミノ酸置換によって Knobs-into-holes が導入されていることを特徴とするアゴニスト多種特異性抗体、を提供するものである。
- なお、本明細書において規定された用語の定義は、本明細書中で使用される用語の理解を容易にする目的で記載されたものであり、本発明を限定する目的で用  
20 いられるべきではないことは理解されたい。
- 本発明は、アゴニスト抗体の効率的な新規スクリーニング方法を提供する。本方法においては、まず、受容体に結合し得る可変領域を含む被験抗体を、該受容体に接触させる (工程 (a))。
- 25 本発明において、抗体が多種特異性抗体の場合には、第一の受容体鎖と第二の受容体鎖を有する受容体の、該第一の受容体鎖に結合し得る可変領域および該第



二の受容体鎖に結合し得る可変領域を含む被験多種特異性抗体を、該受容体に接触させる（工程（a））。

アゴニスト抗体とは、ある受容体に対して、アゴニスト作用を有する抗体を指す。一般的に、アゴニストであるリガンド（因子）が受容体と結合すると、受容体タンパク質の立体構造が変化し、受容体が活性化（受容体が膜タンパク質である場合には、通常、細胞増殖等のシグナルを発する）される。二量体を形成するタイプの受容体である場合には、アゴニスト抗体は適切な距離、角度で受容体を二量体化させることにより、リガンドと同様の働きをすることができる。つまり適当な抗受容体抗体はリガンドによる受容体の二量体化を模倣でき、アゴニスト抗体となり得る。

多種特異性抗体とは、異なる多種の抗原と特異的に結合し得る抗体を言う。つまり多種特異性抗体は、少なくとも2種類の異なる抗原に対して特異性を有する抗体である。通常、このような分子は2個の抗原と結合するものであるが（すなわち二重特異性抗体）、本明細書中では「多種特異性抗体」は、それ以上（例えば、3種類の）抗原に対して特異性を有する抗体を包含するものである。多種特異性抗体は全長から成る抗体、またはそのような抗体の断片（例えば、 $F(ab')_2$ 、二種特異性抗体）であり得る。多種特異性抗体は、免疫診断、治療および免疫学的検定による診断等の臨床分野において有用である。本発明における多種特異性抗体としては、例えば、二種の抗原と特異的に結合し得る二種特異性抗体を好適に示すことができる。通常、抗原がヘテロ受容体である場合には、二種特異性抗体は、ヘテロ受容体を構成する2本のポリペプチド鎖をそれぞれ認識する。

本発明におけるアゴニスト多種特異性抗体とは、上記のアゴニスト抗体と多種特異性抗体の両方の性質（特徴）を有する抗体を指す。

本発明の好ましい態様においては、まず、本発明のスクリーニング方法に供する被験抗体の調製を行う。しかしながら、この被験抗体の調製は、必ずしも必須の工程ではなく、すでに公知の化合物、または天然に存在する抗体（様）分子あ

るいは該抗体分子の断片等を本発明の被験抗体とすることも可能である。

本発明において、被験抗体にはどのような抗体を用いてもよく、特に限定はされないが、多種特異性抗体であることが好ましく、さらに二種特異性抗体であることが好ましい。

- 5      また、本発明のアゴニスト抗体が結合してシグナルを伝達する受容体は、どのような受容体を用いてもよく、特に限定されない。受容体の好ましい例としては、細胞膜受容体を挙げることができ、さらに好ましくは多量体を形成する受容体であり、特に好ましくは二量体を形成する受容体（例えば、ヘテロ受容体）である。

- 本発明の上記被験抗体は、通常、動物に対して抗原を免疫化することにより調製することができる。動物を免疫化する抗原としては、免疫原性を有する完全抗原と、免疫原性を有さない不完全抗原（ハプテンを含む）が挙げられる。本発明においては、スクリーニングしたいアゴニスト抗体がリガンドとして作用すると考えられる受容体を、上記抗原（免疫原）として使用する。本発明における上記受容体は特に制限されないが、通常、多量体であり、好ましくは二量体である。
- 10      二量体には、同一の受容体鎖で構成されるホモ二量体と、異なる受容体鎖で構成されるヘテロ二量体がある。より好ましくはヘテロ二量体である。免疫化する動物として、例えば、マウス、ハムスター、またはアカゲザル等を用いることができる。これら動物に対して、抗原を免疫化することは、当業者においては、周知の方法によって行うことができる。本発明において好ましくは、免疫化された動物
- 15      または該動物の細胞から抗体のL鎖およびH鎖の可変領域の回収を行う。この操作は、当業者においては一般的に公知の技術を用いて行うことができる。抗原によって免疫化された動物は、とりわけ脾臓細胞において該抗原に対する抗体を発現する。従って、例えば、免疫化された動物の脾臓細胞から mRNA を調製し、該動物の CDR に対応するプライマーを用いて、RT-PCR により L 鎖および H 鎖の可
- 20      変領域の回収を行うことができる。ここで、CDR とは、抗体の可変領域中の超可変領域に存在し、抗原と相補的に直接結合する 3 つの領域（CDR1、CDR2、CDR3）
- 25

を指す。CDR に対応するプライマーとしては、例えば、CDR よりも多様性の低いフレームワークに対応するプライマー、あるいはシグナル配列と CH1、CL 部分に対応するプライマーを用いることができる。また、*in vitro* においてリンパ球を免疫化することもできる。その後、免疫化された動物の脾臓またはリンパ球中に含まれる抗体をコードする DNA を、慣用の方法、例えば、抗体重鎖及び軽鎖をコードする遺伝子に特異的に結合することができるヌクレオチドプローブ等を用いる方法により単離する。

免疫原とする受容体は、該受容体を構成するタンパク質全体、もしくは該タンパク質の部分ペプチドであってもよい。本発明における好ましい態様においては、受容体がヘテロ受容体の場合、ヘテロ受容体の一部を構成する部分ペプチド鎖において、2 種以上の異なる部分ペプチド鎖を免疫原として使用する。本発明においては、異なる部分ペプチド鎖を、それぞれ「第一の受容体鎖」および「第二の受容体鎖」と記載する。本発明の受容体が二量体を形成する場合には、上記の「第一の受容体鎖」または「第二の受容体鎖」はそれぞれ、該二量体の各サブユニットを構成するペプチド鎖（または該ペプチド鎖の部分ペプチド）であることが好ましい。例えば、A 鎖と B 鎖の 2 種のペプチド鎖からなるヘテロ受容体の場合、A 鎖（又はその部分ペプチド）が「第一の受容体鎖」となり、B 鎖（又はその部分ペプチド）が「第二の受容体鎖」となることが好ましい。これらの第一の受容体鎖および第二の受容体鎖を免疫原として、動物へ免疫化することにより、該第一の受容体鎖に結合し得る可変領域および該第二の受容体鎖に結合し得る可変領域を含む被験抗体を調製することができる。

また、動物を免疫するのに用いる免疫原としては、場合により抗原となるものを他の分子に結合させ可溶性抗原とすることも可能であり、また、場合によりそれらの断片を用いてもよい。受容体のような膜貫通分子を抗原として用いる場合、これらの断片（例えば、受容体の細胞外領域）を用いるのが好ましい。また、膜貫通分子を細胞表面上に発現する細胞を免疫原とすることもできる。このような細

胞は天然（腫瘍セルライン等）由来、または、組換え技術により膜貫通分子を発現するように構成された細胞であってもよい。

- 本発明の上記スクリーニング方法の好ましい態様においては、まず、アゴニスト抗体がアゴニストとして作用する受容体のリガンド（因子）に依存して増殖する細胞に、受容体それぞれに対するウイルス抗体ライブラリーを感染させる。該ライブラリーが感染した細胞において、受容体に対する抗体が産生する。本発明においては、上記細胞において生成される抗体を本発明の「被験抗体」として、本発明のスクリーニング方法へ供される。抗体が多種特異性抗体の場合には、アゴニスト多種特異性抗体がアゴニストとして作用する受容体のリガンド（因子）に依存して増殖する細胞に、多種の受容体鎖それぞれに対するウイルス抗体ライブラリーを重感染させる。該ライブラリーが重感染した細胞において、適切なペプチド鎖の組み合わせによって生じる多種の受容体鎖に対する抗体が産生する。

- 本発明の上記細胞は、通常、真核生物由来の細胞であり、好ましくは動物細胞であり、より好ましくはヒト由来の細胞である。本発明の一つの態様においては、被験抗体を発現させる細胞において、上記受容体（アゴニスト抗体がアゴニストとして作用する受容体）もまた発現させることが好ましい。従って本発明の好ましい態様においては、受容体、および被験抗体を同一の細胞で発現させることを特徴とする。このとき、細胞から分泌された被験抗体が、受容体と結合しアゴニスト作用を有する場合には、該受容体が細胞増殖シグナルを発し、該細胞がオートクライン（autocrine）自律増殖する。オートクライン自律増殖とは、細胞自身が生産する物質を増殖シグナルとして、細胞が自立的に増殖する現象を言う。このようにオートクライン自律増殖をするか否かを指標とすることにより、アゴニスト多種特異性抗体をスクリーニングすることができる。本発明の好ましい態様においては、被験抗体および受容体が発現した細胞がオートクライン自律増殖する場合に、被験抗体はアゴニスト作用を有するものと判定される。

また、以下のような指標により、本発明の被験抗体のアゴニスト作用を判定す

ることができる。

(1) 因子依存的に増殖する細胞の培養時に抗体サンプルを添加することによって因子同様に細胞が増殖するか否かを指標とする。細胞が増殖する場合に、被験抗体は、アゴニスト作用を有するものと判定される。

- 5 (2) 因子の本来の活性（増殖とは限らない）を示す細胞株の培養時に加えることによって因子同様の反応を示すか否かを指標とする。因子同様の反応を示す場合に、被験抗体は、アゴニスト作用を有するものと判定される。

本発明における上記細胞増殖シグナルを発する細胞は、通常、本発明のスクリーニング方法により選択される抗体がアゴニストとして作用し得る受容体を、細胞表面において発現しており、該受容体のリガンド（例えば、アゴニスト抗体）と結合することにより、細胞増殖シグナルを発する。従って本発明において使用する細胞は、受容体のリガンド（因子）依存的に増殖できる細胞（因子依存性増殖細胞）であることが好ましい。また、本発明の受容体は、通常、リガンドと結合することにより、細胞増殖シグナルを発するものであることが好ましい。しかし、本発明における受容体が細胞増殖シグナルを出さないタイプのものである場合、該受容体を、細胞増殖シグナルを発するタイプの受容体と融合させ、所謂キメラ受容体とすることにより、本発明に使用することができる。より具体的には、リガンドが結合する受容体の細胞外領域と、増殖シグナルを発するタイプの受容体の細胞内領域を含むキメラ受容体を使用することが可能である。該キメラ受容体は、リガンドと結合することにより、細胞増殖シグナルを発する。リガンドが結合する受容体と融合させることによりキメラ受容体を構築するのに適した受容体は、細胞増殖シグナルを発するタイプの受容体であれば特に制限されず、サイトカイン受容体など、当業者が公知の受容体を用いることができる。受容体の具体的な例としては、G-CSF 受容体、mpl、neu、GM-CSF 受容体、EPO 受容体、c-Kit、FLT-3 等を挙げることができる。本発明における上記因子依存性増殖細胞の好適な例として、具体的には、細胞外がリガンド受容体鎖、細胞内が G-CSF 受容

体鎖であるキメラ受容体を発現させた因子依存性増殖細胞 BaF3 を示すことができる。その他、本発明において使用できる細胞として、例えば、NFS60、FDCP-1、FDCP-2、CTLL-2、DA-1、KT-3 等を挙げることができる。

本発明は上記のような、抗体、および該抗体との結合により多量体化する受容  
5 体を発現する細胞であって、該受容体の因子に依存して増殖する細胞もまた、本発明に含まれる。

本発明の「抗体」には、所謂「免疫グロブリン」が含まれ、さらに、天然の抗体および抗体様分子、抗体断片も含まれる。天然の抗体および免疫グロブリンは、一般的に約 150,000 ダルトンのヘテロ四量体であり、2 本の同じ軽鎖 (L 鎖) お  
10 よび 2 本の同じ重鎖から成る。各軽鎖は、重鎖に 1 つの共有ジスルフィド結合により連結されているが、重鎖間のジスルフィド結合の数は、免疫グロブリンのアイソタイプの種類によって異なる。重鎖および軽鎖はまた、それぞれ一定間隔の鎖内ジスルフィド橋を有する。各重鎖は一つの末端に可変領域 (VH) を有し、それに連結された多数の定常領域を有する。各軽鎖は一方の末端に可変領域 (VL)  
15 を有し、他方の末端に定常領域を有する。軽鎖の定常領域は重鎖の最初の定常領域と並んでおり、軽鎖の可変領域は重鎖の可変領域と並んでいる。特定のアミノ酸残基が軽鎖および重鎖の可変領域のインターフェイスを形成していると考えられている (Chothia C, et al: J Mol Biol 186:651-663, 1985、Novotny J, Haber E: Proc Natl Acad Sci USA 82:4592-4596, 1985)。本発明における被験抗体として、具体的には、免疫グロブリン G (IgG) が好適に用いられる。  
20

上記の抗体断片という用語は全長抗体の一部のことであり、一般に抗原結合領域または可変領域を指す。例えば、抗体断片には Fab、Fab'、F(ab')<sub>2</sub> および Fv 断片が含まれる。抗体のパパイン消化により、Fab 断片と呼ばれる、各 1 つずつの抗原結合部位を有する 2 つの同じ抗原結合断片、および残りの、容易に結晶化  
25 するために「Fc」と呼ばれる断片が生じる。また、ペプシン消化により、2 つの抗原結合部位を有し、抗原を交差結合し得る F(ab')<sub>2</sub> 断片、および残りの別な断

片 (pFc' と呼ばれる) が得られる。その他の断片としては、ダイアボディ (diabody)、線状抗体、一本鎖抗体分子および抗体断片より形成された多種特異性抗体が含まれる。本発明において抗体断片とは、例えば、Fv、F(ab) および F(ab')<sub>2</sub> 断片等を指す。

- 5      ここで、「Fv」断片は最小の抗体断片であり、完全な抗原認識部位と結合部位を含む。この領域は 1 つの重鎖および軽鎖の可変領域が非共有結合により強く連結されたダイマーである (V<sub>H</sub>-V<sub>L</sub> ダイマー)。各可変領域の 3 つの CDR が相互作用し、V<sub>H</sub>-V<sub>L</sub> ダイマーの表面に抗原結合部位を形成する。6 つの CDR が抗体に抗原結合部位を付与している。しかしながら、1 つの可変領域 (または、抗原に特異
- 10      的な 3 つの CDR のみを含む Fv の半分) であっても、全結合部位よりも親和性は低い、抗原を認識し、結合する能力を有する。

- また、Fab 断片 (F(ab) と呼ばれる) はさらに、軽鎖の定常領域および重鎖の定常領域 (CH1) を含む。Fab' 断片は、抗体のヒンジ領域からの 1 またはそれ以上のシステインを含む重鎖 CH1 領域のカルボキシ末端由来の数個の残基を付加
- 15      的に有する点で Fab 断片と異なっている。Fab'-SH とは、定常領域の 1 またはそれ以上のシステイン残基が遊離のチオール基を有する Fab' を示すものである。F(ab') 断片は、F(ab')<sub>2</sub> ペプシン消化物のヒンジ部のシステインにおけるジスルフィド結合の切断により製造される。化学的に結合されたその他の抗体断片も当業者には知られている。

- 20      本発明においてダイアボディ (diabody; Db) は、遺伝子融合により構築された二価 (bivalent) の抗体断片を指す (P. Holliger et al., Proc. Natl. Acad. Sci. USA 90: 6444-6448 (1993)、EP404,097 号、W093/11161 号等)。ダイアボディは、2 本のポリペプチド鎖から構成されるダイマーであり、ポリペプチド鎖は各々、同じ鎖中で軽鎖可変領域 (VL) 及び重鎖可変領域 (VH) が、互いに結合できない位に短い、例えば、5 残基程度のリンカーにより結合されている。同一ポリペプチド鎖
- 25      上にコードされる VL と VH とは、その間のリンカーが短いため単鎖 V 領域フラグ

メントを形成することが出来ず二量体を形成するため、ダイアボディは2つの抗原結合部位を有することとなる。このとき2つの異なる抗原(a、b)に対するVLとVHをVL<sub>a</sub>-VH<sub>b</sub>とVL<sub>b</sub>-VH<sub>a</sub>の組合わせで5残基程度のリンカーで結んだものを同時に発現させると二種特異性Dbとして分泌される。

- 5 一本鎖抗体（以下、scFvとも記載する）またはscFv抗体断片には、抗体のVHおよびVL領域が含まれ、これらの領域は単一のポリペプチド鎖中に存在する。一般に、FvポリペプチドはさらにVHおよびVL領域の間にポリペプチドリッカーを含んでおり、これによりscFvは、抗原結合のために必要な構造を形成することができる（scFvの総説については、Pluckthun『The Pharmacology of Mono
- 10 clonal Antibodies』Vol.113 (Rosenburg and Moore ed (Springer Verlag, New York) pp.269-315, 1994)を参照）。本発明におけるリンカーは、その両端に連結された抗体可変領域の発現を阻害するものでなければ特に限定されない。

- また、遺伝子工学的に非ヒト哺乳動物(マウス、ラット、ハムスター等)由来のモノクローナル抗体のCDR以外の部分をヒト免疫グロブリン由来の可変領域の枠
- 15 組構造配列に置き換え「ヒト化抗体」とする技術が公知である(例えば、Jones et al., Nature 321: 522-525 (1986); Reichmann et al., Nature 332: 323-329 (1988); Presta Curr.Op.Struct.Biol. 2: 593-596 (1992)参照)。ヒト化抗体は、レシピエント抗体に導入させたCDRまたは枠組構造配列のどちらにも含まれないアミノ酸残基を含んでいてもよい。通常、このようなアミノ酸残基の導入は、
- 20 抗体の抗原認識・結合能力をより正確に至適化するために行われる。本発明の被験抗体における可変領域はヒト化等の改変された可変領域も包含する。

- 本発明において抗体ライブラリーによって細胞において発現させる被験抗体としては、例えば、IgG、scFvをCH1-ヒンジ-CH2-CH3のN末端に付加した抗体分子、scIgG (scFabをヒンジ-CH2-CH3のN末端に付加した抗体分子)、scDb等を
- 25 好適に挙げることができる。本発明においては、通常、異なる抗原に対するそれぞれの抗体ライブラリーを細胞へ重複感染させるが、scDbを用いる場合には、



抗体ライブラリーは単一のライブラリーとすることが可能である。

本発明の好ましい態様においては、抗体ライブラリーを細胞へ導入する。抗体が多種特異性抗体の場合、第一の受容体鎖および第二の受容体鎖に対するそれぞれの抗体ライブラリーを細胞へ導入する。該抗体ライブラリーとしては、例えば、

5 レトロウイルス抗体ライブラリーを好適に使用することができる。レトロウイルスは、感染効率を 10%程度に調節することによって、ほとんどの感染細胞において 1 コピーのウイルスの組み込みが期待できること、および、導入遺伝子が宿主の染色体に組み込まれるため、長期間安定に遺伝子の発現が期待できる等の特長を有する。その他抗体ライブラリーが作製可能なウイルスベクターとしては、ア

10 デノウイルス、アデノ随伴ウイルス、ヘルペスウイルス、ワクシニアウイルス、ポックスウイルス、シンプスウイルス、センダイウイルス、SV40、HIV 等の DNA および RNA ウイルス等が挙げられる。

また、抗体ライブラリーは、公知の方法に従って構築することができる(例えば、McCafferty et al., Nature 348: 552-554 (1990); Clackson et al., Nature

15 re 352: 624-628 (1991); Marks et al., J. Mol. Biol. 222: 582-597 (1991)等参照)。より具体的には、下記のようにして抗体ライブラリーを作製することができるが、この方法に限定されるものではない。まず、マウスに受容体の A 鎖、B 鎖それぞれを免疫する。この動物の脾細胞から mRNA を抽出し、マウスの CDR に対応するプライマーを用いて RT-PCR にて L 鎖、H 鎖の可変領域を回収する。a

20 ssembly PCR にて一本鎖 Fv(scFv)を合成し、抗体ライブラリーを構築する。パンニングによって抗原結合抗体クローンを濃縮し、その一本鎖可変領域を動物細胞用のシグナル配列と CH1-hinge-CH2-CH3 の間に挿入し、レトロウイルス用のプラスミドに組み込んだライブラリーを作製する。もしくは scFab として合成し、シグナル配列と -hinge-CH2-CH3 の間に挿入したライブラリーを構築する。または s

25 cDb のライブラリーとして構築する。

本発明の抗体ライブラリーは、プラスミド発現ベクターを用いて作製すること

も可能である。本発明の上記細胞が動物細胞である場合には、例えば、pME18S (M ed. immunol. 20: 27-32 (1990))、pEF-BOS (Nucleic Acids Res. 18: 5322 (199 0))、pCDM8 (Nature 329: 840-842 (1987))、pRSVneo、pSV2-neo、pcDNAI/Amp (In vitrogen)、pcDNAI、pAMoERC3Sc、pCDM8 (Nature 329: 840 (1987))、pAGE107 (Cy 5 totechnology 3: 133 (1990))、pREP4 (Invitrogen)、pAGE103 (J. Biochem. 101: 1307 (1987))、pAMoA、pAS3-3、pCAGGS (Gene 108: 193-200 (1991))、pBK-CMV、pcDNA3.1 (Invitrogen)、pZeoSV (Stratagene) 等を発現ベクターとして例示することが できる。発現プロモーターとしては、例えば、サイトメガロウイルスの IE 遺伝子のプロモーターおよびエンハンサー、SV40 の初期プロモーター、RSV、HI 10 V および MMLV 等のレトロウイルスの LTR、メタロチオネイン  $\beta$ -アクチン、伸長 因子 1、HSP 等の動物細胞由来の遺伝子のプロモーター等を挙げることができる。

プラスミド発現ベクターの細胞への導入方法としては、細胞およびベクターの 種類に依存するが、細胞に発現ベクターDNA を導入できる方法であれば、いずれ も用いることができる。例えば、エレクトポレーション (Cytotechnology 3:133 15 (1990))、リン酸カルシウム法 (特開平 2-227075 号公報)、リポフェクション法 (Proc. Natl. Acad. Sci. USA 84: 7413 (1987); Virology 52: 456 (1973))、リン 酸-カルシウム共沈法、DEAE-デキストラン法、微小ガラス管を用いた DNA の直接 注入法等が挙げられる。

また、受容体がヘテロ受容体の場合 (抗体が多種特異性抗体の場合)、本発明 20 の被験抗体の発現は、通常、二種の軽鎖、二種の重鎖それぞれの発現ライブラリ ー (ベクター) を一つの細胞に導入することによって可能となる。このとき、軽 鎖と重鎖の組み合わせには通常相性はなく、4 本の鎖の組み合わせは 10 通り存 在する。最終的に本発明の方法によってスクリーニングされるアゴニスト抗体は、 血中安定性を有する全長抗体 (whole antibody) であることが好ましい。このた 25 め、本発明のスクリーニング方法に供する被験抗体も、全長抗体であることが好 ましい。上記のようにそのままライブラリー等で細胞内で発現させた場合、10

通りもの抗体が分泌され、他の組み合わせの抗体による中和作用の心配があるため、所望の重鎖と軽鎖の組み合わせとなる被験抗体を発現させることが好ましい。所望の重鎖と軽鎖の組み合わせとするためには、例えば、望ましい共通の軽鎖を使用することが挙げられる。または、ホモの重鎖の組み合わせとならないように、

5 重鎖の CH3 領域へのアミノ酸置換によって「knobs-into-holes」(Protein Engineering vol. 9, 617-621, 1996; W098/50431)を導入し、重鎖のホモ二量体の形成を阻害させ、ヘテロな組み合わせとなるようにすることも可能である。従って本発明における被験抗体の CH3 は、好ましくは、アミノ酸置換によって knobs-into-holes が導入されていることを特徴とする。また、CL、CH1 に適当なアミノ酸

10 置換を行い、軽鎖と重鎖の組み合わせを規定することによって、ヘテロ抗体の産生効率を高めることもできる。さらに、軽鎖と重鎖の可変領域をリンカーで結んだ一本鎖可変領域 scFv を使用することにより、軽鎖と重鎖の組み合わせを規定し、scFv-CH1-ヒンジ-CH2-CH3 の形で被験抗体を発現させることも可能である。従って本発明の態様の一つとして被験抗体は、軽鎖と重鎖の可変領域がリンカー

15 で結ばれていることを特徴とする。この可変領域がリンカーで結ばれている被験多種特異性抗体は、例えば、以下のようにして作製することができるが、これらの方法に特に限定されない。

(1) 第一の受容体鎖に対する一本鎖 Fv を作製し、次いで、該一本鎖 Fv を CH1-hinge-CH2-CH3 に結合させることにより、第一の受容体鎖に対する一本鎖抗体

20 を作製し、該一本鎖抗体を含むように被験抗体を作製する。

(2) 第一の受容体鎖に対する一本鎖 Fab を作製し、次いで、該一本鎖 Fab を Fc に結合させることにより、第一の受容体鎖に対する一本鎖抗体を作製し、該一本鎖抗体を含むように被験抗体を作製する。

また、公知の製造方法を用いて作製された多種特異性抗体を被験抗体として、

25 本発明のアゴニスト多種特異性抗体のスクリーニング方法へ供することもできる。

本方法の上記工程 (a) における被験抗体と受容体との「接触」とは、例えば、

細胞に発現している受容体に対して、上記の如く細胞中において発現し、細胞外へ分泌された被験抗体が「接触」することを指すが、この接触の形態に特に制限されない。

- 5 本発明の上記スクリーニング方法においては、次いで、被験抗体がアゴニスト作用を有するか否かの判定を行い（工程（b））、アゴニスト作用を有する抗体を選択する（工程（c））。

- 10 本発明の好ましい態様における上記工程は、被験抗体についてアゴニスト作用を有するか否かの判定を、上記の如く細胞がオートクライン自律増殖をするか否かを指標として行い、オートクライン自律増殖する場合に、該細胞において発現された抗体をアゴニスト抗体として選択する。

- 15 本発明のスクリーニング方法によって選択されたアゴニスト抗体は、通常、オートクライン自律増殖した細胞を回収し、適宜クローニングを行い、該細胞を用いてPCR法により、上記アゴニスト多種特異性抗体のCDR遺伝子を回収し、抗体産生に供することができる。CDR遺伝子を基に抗体を産生することは、当業者において一般的な方法により、通常行い得ることである。

受容体がヘテロ受容体の場合、本発明のアゴニスト多種特異性抗体のスクリーニング方法は、具体的には、以下のようにして実施することができるが、この方法は本発明の一つの態様であり、本発明の方法がこの方法に特に限定されるものではない。

- 20 抗体がリガンドとして作用する受容体の鎖（例えば、A鎖およびB鎖）の細胞外領域を免疫化した動物からそれぞれの抗体ファージライブラリーを作製し、抗受容体鎖抗体をパンニング法により選択する。これをレトロウイルスベクターのライブラリーに変換する。

- 25 次に、リガンド依存的に増殖できる細胞株を用意する。この細胞に抗A鎖抗体ライブラリーを感染導入し、感染細胞をベクターに付加した薬剤耐性で選択し培養する。続いて抗B鎖抗体ライブラリーを重感染する。これで抗A鎖抗体と抗B

鎖抗体のあらゆる組み合わせの二種特異性抗体を発現する細胞のライブラリーを構築することができる。このうち適当な組み合わせの二種特異性抗体が標的受容体に対してアゴニスト作用を示す場合、これを分泌するクローンのみがそのオートクラインによって自律増殖することができる。このように選択された BaF3 ク

5    ローンの染色体から組み込まれた抗体遺伝子を PCR によって回収する。

このようにオートクライン自律増殖を指標としてアゴニスト作用を有する抗体をスクリーニングする手法は、これまでのところ知られておらず、本発明者らによって初めて見出されたものである。本発明は、多種特異性抗体を含む一般的な抗体についてのオートクライン増殖を利用したアゴニスト抗体のスクリーニング  
10    方法も提供する。

上記スクリーニング方法においては、まず、被験抗体、および多量体化する受容体を発現する細胞であって、該受容体の因子に依存して増殖する細胞を提供する（工程（A））。次いで、細胞がオートクライン自律増殖する場合に、被験抗体はアゴニスト作用を有するものと判定を行い（工程（B））、アゴニスト作用  
15    を有する抗体を選択する（工程（C））。

上記方法はアゴニスト多種特異性抗体のスクリーニングに特に限定されず、多種特異性を示さないアゴニスト抗体のスクリーニングも上記方法に含まれる。

一般的に軽鎖は、抗体の特異性にあまり影響を及ぼさないことが知られていることから、多種特異性抗体の場合でも、細胞に2種類の重鎖および2種類の軽鎖を導入することなく、1種類の軽鎖を予め細胞に発現させた後、2種類の重鎖の  
20    ライブラリーを導入することによっても、上記方法を実施することが可能である。従って、上記方法における好ましい態様においては、上記工程（A）～（C）に加えて、工程（A）の細胞が、受容体をコードする遺伝子および被験抗体の軽鎖をコードする遺伝子が導入された細胞であり、さらに、被験抗体の重鎖をコード  
25    する遺伝子を導入する工程を含む。

また、本発明は、本発明のアゴニスト抗体のスクリーニング方法を利用した、

アゴニスト抗体を製造する方法を提供する。

上記方法においては、まず、本発明のアゴニスト抗体のスクリーニング方法により、アゴニスト抗体をスクリーニングし、スクリーニングにより選択されるアゴニスト抗体をコードする遺伝子を宿主細胞へ導入する。次いで、該宿主細胞、

- 5 または該細胞の培養液から、アゴニスト多種特異性抗体を回収する。

このようにして得られた本発明の抗体は、細胞内、または、シグナル配列を用いて細胞外に分泌させた場合には培地等から単離し、実質的に純粋なポリペプチドとして精製することもできる。ポリペプチドの分離、精製は、一般的に使用される、クロマトグラフィー、フィルター、限外濾過、塩析、溶媒沈澱、溶媒抽出、

- 10 蒸留、免疫沈降、SDS-ポリアクリルアミドゲル電気泳動、等電点電気泳動、透析、再結晶等の方法を適宜選択し、必要に応じて組合せることにより行うことができる。クロマトグラフィーとしては、アフィニティークロマトグラフィー、イオン交換クロマトグラフィー、疎水性クロマトグラフィー、ゲル濾過、逆相クロマトグラフィー、吸着クロマトグラフィー等が挙げられる (Strategies for Protein
- 15 Purification and Characterization: A Laboratory Course Manual, Daniel R. Marshak et al. eds., Cold Spring Harbor Laboratory Press (1996); Antibodies: A Laboratory Course Manual, Harlow and David Lane eds., Cold Spring Harbor Laboratory Press (1988))。これらのクロマトグラフィーは、HPLC や FPLC 等の液相クロマトグラフィーを用いて行うことができる。また、本発明の抗体は
- 20 抗原に対して結合することから、抗原への結合性を利用して精製することも可能である。このように単離・精製されたアゴニスト抗体自体も本発明に含まれる。

本発明の好ましい態様における被験抗体は、上述のように、軽鎖と重鎖の可変領域をリンカーで結ばれ、かつ CH3 にアミノ酸置換によって knobs-into-holes が導入されている。従って、本発明によって提供される抗体は、好ましくは、抗

25 体の軽鎖と重鎖の可変領域がリンカーで結ばれ、かつ抗体の CH3 に、アミノ酸置換によって Knobs-into-holes が導入されていることを特徴とするアゴニスト抗

体である。

本発明のスクリーニング方法においてアゴニスト活性の検出指標として用いられるのは、増殖活性であることが好ましいが、その他に例えば、産生物質（分泌タンパク質、表面抗原、細胞内タンパク質、mRNA 等）の量的及び／又は質的変化、足場依存性、サイトカイン依存応答性、ホルモン依存性、薬剤耐性、細胞運動性、細胞遊走活性、拍動性、細胞内物質の変化、タンパク質のリン酸化、酵素反応などを用いることが可能である。

本発明のスクリーニング方法によって取得できるアゴニスト抗体は、従来知られている多種特異性抗体と同様に、免疫治療または予防のための医薬品とすることができる。ヘテロニ量体を構成する免疫系の受容体のリガンドとして IL-10、12、24、4、7、9、13、TSLP、IFN $\alpha$ 、 $\beta$  等が、神経系の受容体のリガンドとして、NGF、GDNF、NT-3、4、5 が知られている。本発明の方法により取得されるアゴニスト抗体として、例えば、上記のリガンド様作用を有する抗体を取得することが可能である。本発明の方法によって取得される抗体は、免疫または神経系疾患等の治療のための医薬品となるものと期待される。

治療または予防目的で使用される本発明の抗体を有効成分として含む医薬組成物は、必要に応じ、それらに対して不活性な適当な薬学的に許容される担体、媒体等と混和して製剤化することができる。例えば、滅菌水や生理食塩水、安定剤、賦形剤、酸化防止剤（アスコルビン酸等）、緩衝剤（リン酸、クエン酸、他の有機酸等）、防腐剤、界面活性剤（PEG、Tween 等）、キレート剤（EDTA 等）、結合剤等を挙げることができる。また、その他の低分子量のポリペプチド、血清アルブミン、ゼラチンや免疫グロブリン等の蛋白質、グリシン、グルタミン、アスパラギン、アルギニン及びリシン等のアミノ酸、多糖及び単糖等の糖類や炭水化物、マンニトールやソルビトール等の糖アルコールを含んでもよい。注射用の水溶液とする場合には、例えば生理食塩水、ブドウ糖やその他の補助薬を含む等張液、例えば、D-ソルビトール、D-マンノース、D-マンニトール、塩化ナトリウムが挙げ

られ、適当な溶解補助剤、例えばアルコール(エタノール等)、ポリアルコール(プロピレングリコール、PEG 等)、非イオン性界面活性剤(ポリソルベート 80、HCO-50)等と併用してもよい。

また、必要に応じ本発明の抗体をマイクロカプセル(ヒドロキシメチルセルロース、ゼラチン、ポリ[メチルメタクリル酸]等のマイクロカプセル)に封入したり、コロイドドラッグデリバリーシステム(リポソーム、アルブミンミクロスフェア、マイクロエマルジョン、ナノ粒子及びナノカプセル等)とすることもできる("Remington's Pharmaceutical Science 16<sup>th</sup> edition", Oslo Ed. (1980)等参照)。さらに、薬剤を徐放性の薬剤とする方法も公知であり、本発明の抗体に適用し得る(Langer et al., J.Biomed.Mater. Res. 15: 167-277 (1981); Langer, chem.Tech. 12: 98-105 (1982);米国特許第 3,773,919 号;欧州特許出願公開(E P)第 58,481 号;Sidman et al., Biopolymers 22: 547-556 (1983);EP 第 133,988 号)。

患者への投与は、好ましくは注射や点滴により行われ、例えば、動脈内注射、静脈内注射、皮下注射等のほか、鼻腔内、経気管支、筋内、経皮または経口等の経路により当業者に公知の方法により行い得る。投与量は、患者の体重、年齢、疾病の種類、症状、投与方法等の種々の要因により変化するが、当業者であれば適当な投与量を適宜選択することができる。

また、本発明の抗体をコードする遺伝子を遺伝子治療用ベクターに組み込み、遺伝子治療を行うことも考えられる。投与方法としては、naked プラスミドによる直接投与の他、リポソーム等にパッケージングするか、レトロウイルスベクター、アデノウイルスベクター、ワクシニアウイルスベクター、ポックスウイルスベクター、アデノウイルス関連ベクター、HVJ ベクター等の各種ウイルスベクターとして形成するか(Adolph『ウイルスゲノム法』, CRC Press, Florida (1996)参照)、または、コロイド金粒子等のビーズ担体に被覆(W093/17706 等)して投与することができる。しかしながら、生体内において抗体が発現され、その作用を発揮で



きる限りいかなる方法により投与してもよい。好ましくは、適当な非経口経路（静脈内、腹腔内、皮下、皮内、脂肪組織内、乳腺組織内、吸入または筋肉内の経路を介して注射、注入、またはガス誘導性粒子衝撃法（電子銃等による）、添鼻薬等粘膜経路を介する方法等）により十分な量が投与される。ex vivo において

- 5 リポソームトランスフェクション、粒子衝撃法（米国特許第 4, 945, 050 号）、またはウイルス感染を利用して血液細胞及び骨髓由来細胞等に投与して、該細胞を動物に再導入することにより本発明の抗体をコードする遺伝子を投与してもよい。

#### 図面の簡単な説明

- 10 図 1 は、自律増殖株 CM による増殖を示す図である。浄した MPL 発現 BaF3 細胞（MPL の細胞外領域と GCSF 受容体の膜貫通・細胞内領域とのキメラ受容体発現細胞：TPG）10000 /well に、ウイルスの感染により自律増殖能を得た MPL 発現 BaF3 細胞の様々な濃度の培養上清 200  $\mu$ L を加え、3 日後に生細胞数測定試薬 SF（Nakarai）20  $\mu$ L を加えて 2.5 時間後 450 nm の吸光度を測定して生細胞数を調べた。
- 15 MPL 発現 BaF3 細胞（HL(TPG)および LH(TPG)）は、培養上清の濃度依存的に細胞増殖を維持していた。一方、受容体を発現していない親株の BaF3（HL(BaF3)および LH(BaF3)）は抗体が作用しない為、増殖しなかった。横軸は CM 濃度（%）、縦軸は 450～655nm における吸光度を示す。

#### 20 発明を実施するための最良の形態

以下、本発明を実施例により具体的に説明するが、本発明はこれら実施例に制限されるものではない。

##### [実施例 1] diabody によるオートクライン増殖

- 25 アゴニスト抗体のモデルとして mpl に対するモノクローナル抗体 12E10 (W099/10494) を利用した。抗体 12E10 可変領域をコードする pC0Ssc12E10 (W001/79494、

-25-

W002/33072) から diabody をコードする EcoRI-NotI 断片を切り出し、ウイルスベクタープラスミド pMX の EcoRI と NotI の間に挿入した。このプラスミド pMXsc12E10 をパッケージング細胞 Pt-E に FuGene6 (Roche) を用いてトランスフェクションした。Pt-E を 10% 牛胎児血清 (FCS) を含むダルベッコ改変イーグル培地 (DMEM) で 6cm dish に播種し、翌日 FuGene6 とプラスミド pMXsc12E10 を混合したものを培地に加えた。その翌日、培養液を交換し 24 時間後培養上清を回収した。組換えウイルスを含む培養上清に 10  $\mu$ g/mL ポリブレン (Hexadimethrine Bromide, Sigma) を加え、これに標的細胞を懸濁して感染させた。因子依存性細胞株 BaF3 にヒト MPLcDNA を導入し、MPL リガンドつまり Thrombopoietin の添加により増殖可能になった細胞株 MPL/BaF3 (MPL の細胞外領域と G-CSF 受容体の膜貫通・細胞内領域とのキメラ受容体を発現する細胞) にマウスインターロイキン-3 (IL-3) を含むウイルス液加えて感染させた。翌日細胞を PBS で洗浄後、因子を含まない RPMI/10%FCS 中で培養を続けたところ、自律増殖する細胞が得られた。この細胞の培養上清を回収し、別の MPL/BaF3 に加え培養したところ、加える培養上清濃度依存的な細胞増殖が確認された。このことからウイルス感染細胞の自律増殖が、本細胞が培地中に分泌する diabody のオートクラインによる増殖であることが明らかとなった。

#### [実施例 2] scFv-CH1-Fc によるオートクライン増殖

pCOSsc12B5 を鋳型に、プライマー EcoRI-HL (5' - GGAATTCGCCGCCACCATGGAGTTTGGGCTGAGCTGGGTTTTTCCT -3' / 配列番号 : 1) と HL-SfiI (5' - GCATGCATGGCCCCGAGGCCACTCACCTTTGATCTCCAGCTTGGTCCCTCCGCCGAA -3' / 配列番号 : 2) を用いて PCR を行い、5' に EcoRI、3' にスプライスドナー配列及び SfiI サイトを有する scFv (H-L) 遺伝子を得た。また軽鎖-重鎖 (L-H) の順に繋いだものを得るためにまず、5Hs (5' - GGCGGCGGCGGCTCCGGTGGTGGTGGATCCCAGGTGCAGCTGGTGAGTCTGG -3' / 配列番号 : 3) と 3Ha-SfiI (5' - GCATGCATGGCCCCGAGGCCACTCACCTGAAGAGACGGTGACCATT

-26-

GTCCCTT -3' / 配列番号 : 4)、もしくは 5Ls (5' - AGTCAGTCGGCCAGCCGGCCATGGCG  
 GACTACAAAGACATCCAGATGACCCAGTCTCCT -3' / 配列番号 : 5) と 3La (5' - GGAGCCGCC  
 GCCGCCAGAACACCACCACCAGAACACCACCACCTTTGATCTCCAGCTTGGTCCCTCCGCCGAAA -3'  
 / 配列番号 : 6) の組み合わせのプライマーで pCOSsc12B5 を鋳型に PCR を行い、  
 5 得られた両増幅産物とプライマー 5Hs と 3La で再び PCR を行うことで増幅産物を  
 アセンブリした。この産物 LH は両端に SfiI サイトを有し、3' 側にはスプライ  
 スドナー配列を含む。

ヒト IgG1 の定常領域遺伝子を含むプラスミド HEF-1.24H- $\gamma$ 1 (W099/18212) を  
 鋳型に PCR を行い、CH1 直前のイントロン及び CH1, hinge (プライマー EcoSfiI  
 10 (5' - TCGAATTCGGCCTCGGGGCCAGCTTCTGGGGCAGGCCAGGCCTGACCTTGGCTTT -3' / 配列  
 番号 : 7), HigeCH1a (5' - CACGGTGGGCATGTGTGAGTTTTGTCACAAGATTGGGCTCAACTTTC  
 TTGTCCACCTTG -3' / 配列番号 : 8)), CH2 (プライマー HigeCh2s (5' - CAAAACCTCA  
 CACATGCCCCACCGTGCCAGCACCTGAACTCCTGGGGGACCGTCAGTCTT -3' / 配列番号 : 9),  
 Ch3Ch2a (5' - ACACCTGTGGTTCTCGGGGCTGCCCTTTGGCTTTGGAGATGGTTTTCTCGATG -3' /  
 15 配列番号 : 10)), CH3 (プライマー Ch2Ch3sW (5' - GGCAGCCCCGAGAACCACAGGTGTACA  
 CCC -3' / 配列番号 : 11), StopNotI (5' - TAGCGGCCGCTCATTTACCCGGAGACAGGGAGA  
 GGCTCTT -3' / 配列番号 : 12)) を増幅した。これらをアセンブリ PCR によって  
 つなぎ、5' に EcoRI, SfiI, イントロン、3' に NotI サイトを有する IgG1 定常  
 領域遺伝子を合成した。

20 マウスインターロイキン (IL)-3cDNA を鋳型にプライマー IL3sEcoA (5' - CGGAAT  
 TCGGCCGGCTGGGCCAGCATCAGGAGCAGGAGCAGC -3' / 配列番号 : 13), BamIL3ss (5' -  
 GCGGATCCGCCGCCACCATGGTTCTTGCCAGCTCTAC -3' / 配列番号 : 14) を用いて PCR を  
 行い、5' に BamHI、3' に SfiI, EcoRI サイトを有する IL3 シグナル配列(ss)遺  
 伝子を得た。

25 レトロウイルス用ベクター pMX の EcoRI-NotI サイトに合成した IgG1 定常領域  
 遺伝子を導入し、pMX-CHwild を構築した。プラスミド pMX-CHwild の EcoRI-SfiI

-27-

サイトに scFv (H-L) 遺伝子を組み込み、pMX-HL-CHwild を得た。このプラスミドから得られるウイルスが感染すると抗体 12B5 の scFv (HL 順) の C 末に CH1-hinge-C H2-CH3 が付加した抗体用分子を分泌することが期待される。また、pMX-CHwild の BamHI-EcoRI サイトに IL3ss を組み込み、さらに SfiI サイトに scFv (L-H) を組み込み、pMX-IL3ss-LH-CHwild を構築した。このプラスミド由来ウイルスでは LH 順の scFv- CH1-hinge-CH2-CH3 が分泌されることが期待される。以上のプラスミドそれぞれを前記のように Pt-E 細胞にトランスフェクションして組換えウイルスを得、MPL/BaF3 細胞に感染させ、翌日洗浄によって因子を除去して培養を続けた。その結果、自律増殖してくる細胞が得られた。この細胞の培養上清を回収し、別の MPL/BaF3 に加え培養したところ、加える培養上清濃度依存的な細胞増殖が確認された (図 1、TPG)。一方、受容体を発現していない親株の BaF3 には抗体が作用しない為、増殖しなかった (図 1、BaF3)。このことからウイルス感染細胞の自律増殖が、本細胞が培地中に分泌する scFv- CH1-hinge-CH2-CH3 のオートクラインによる増殖であることが明らかとなった。

15

#### 産業上の利用の可能性

本発明により、アゴニスト抗体を効率的にスクリーニングできる新規な方法が提供された。本発明の好ましい態様においては、抗体をライブラリーとして用いることにより、煩雑な作業を必要とせず、簡便にスクリーニングすることが可能である。また、本発明の好ましい態様においては、オートクライン自律増殖をスクリーニングの指標として、自らアゴニスト抗体を分泌するクローンのみが受容体を介したシグナルで増殖した細胞を選択するため、多検体 (抗体ライブラリー) を一度に処理することができ、非常に効率的である。

20

## 請求の範囲

1. 以下の工程 (a) ~ (c) を含む、アゴニスト抗体のスクリーニング方法。
  - (a) 被験抗体、および多量体を形成する受容体を発現する細胞であって、該受
  - 5 容体の因子に依存して増殖する細胞を提供する工程
  - (b) 細胞がオートクライン自律増殖する場合に、被験抗体はアゴニスト作用を有するものと判定する工程
  - (c) アゴニスト作用を有する抗体を選択する工程
2. 工程 (a) の細胞が、受容体をコードする遺伝子および被験抗体の軽鎖を
- 10 コードする遺伝子が導入された細胞であり、さらに、被験抗体の重鎖をコードする遺伝子を導入する工程を含む、請求項 1 に記載の方法。
3. 受容体が、細胞増殖シグナルを発する機能を有するタンパク質とのキメラ受容体である請求項 1 または 2 に記載の方法。
4. 受容体が、二量体を形成する受容体である請求項 1 ~ 3 のいずれかに記載
- 15 の方法。
5. 二量体を形成する受容体が、ホモ二量体を形成する受容体である請求項 4 に記載の方法。
6. 二量体を形成する受容体が、ヘテロ二量体を形成する受容体である請求項 4 に記載の方法。
- 20 7. 細胞増殖シグナルを発する機能を有するタンパク質が G-C S F 受容体である、請求項 1 ~ 6 のいずれかに記載の方法。
8. 抗体ライブラリーを、細胞へ導入することを特徴とする、請求項 1 ~ 7 のいずれかに記載の方法。
9. 抗体ライブラリーがレトロウイルス抗体ライブラリーである、請求項 8 に
- 25 記載の方法。
10. 被験抗体が多種特異性抗体である請求項 1 ~ 9 のいずれかに記載の方法

- 1 1. 被験抗体の重鎖可変領域と軽鎖可変領域がリンカーで結ばれていることを特徴とする請求項 1 0 に記載の方法。
- 1 2. 可変領域がリンカーで結ばれている抗体が、以下の工程 (a) ~ (c) を含む方法により作製されることを特徴とする、請求項 1 1 に記載の方法。
- 5 (a) 第一の受容体鎖に対する一本鎖 F<sub>v</sub> を作製する工程
- (b) 該一本鎖 F<sub>v</sub> を CH1-hinge-CH2-CH3 に結合させることにより、第一の受容体鎖に対する一本鎖抗体を作製する工程
- (c) 工程 (b) で作製された一本鎖抗体を含む多種特異性抗体を作製する工程
- 1 3. 可変領域がリンカーで結ばれている抗体が、以下の工程 (a) ~ (c) を含む方法により作製されることを特徴とする、請求項 1 1 に記載の方法。
- 10 (a) 第一の受容体鎖に対する一本鎖 F<sub>a</sub> b を作製する工程、
- (b) 該一本鎖 F<sub>a</sub> b を F<sub>c</sub> に結合させることにより、第一の受容体鎖に対する一本鎖抗体を作製する工程、
- (c) 工程 (b) で作製された一本鎖抗体を含む多種特異性抗体を作製する工程
- 15 1 4. 以下の工程 (a) ~ (c) を含む、アゴニスト多種特異性抗体のスクリーニング方法。
- (a) 第一の受容体鎖と第二の受容体鎖を有する受容体の、該第一の受容体鎖に結合し得る可変領域および該第二の受容体鎖に結合し得る可変領域を含む被験多種特異性抗体を、該受容体に接触させる工程
- 20 (b) 被験多種特異性抗体がアゴニスト作用を有するか否かを判定する工程
- (c) アゴニスト作用を有する抗体を選択する工程
- 1 5. 受容体、および被験多種特異性抗体を同一の細胞で発現させることを特徴とする請求項 1 4 に記載の方法。
- 1 6. 細胞が、受容体の因子に依存して増殖する細胞である、請求項 1 5 に記載の方法。
- 25 1 7. 受容体が細胞増殖シグナルを発する機能を有する、請求項 1 5 または 1

6に記載の方法。

18. 受容体が、細胞増殖シグナルを発する機能を有するタンパク質とのキメラ受容体である請求項17に記載の方法。

19. 細胞増殖シグナルを発する機能を有するタンパク質がG-CSF受容体である、請求項18に記載の方法。

20. 細胞がオートクライン自律増殖する場合に、被験多種特異性抗体はアゴニスト作用を有するものと判定される、請求項15～19のいずれかに記載の方法。

21. 第一の受容体鎖および第二の受容体鎖に対するそれぞれの抗体ライブラリーを、細胞へ導入する工程をさらに含む、請求項15～20のいずれかに記載の方法。

22. 抗体ライブラリーがレトロウイルス抗体ライブラリーである、請求項21に記載の方法。

23. 多種特異性抗体の軽鎖と重鎖の可変領域がリンカーで結ばれていることを特徴とする請求項14～22のいずれかに記載の方法。

24. 可変領域がリンカーで結ばれている多種特異性抗体が、以下の工程(a)～(c)を含む方法により作製されることを特徴とする、請求項23に記載の方法。

(a) 第一の受容体鎖に対する一本鎖Fvを作製する工程

20 (b) 該一本鎖FvをCH1-hinge-CH2-CH3に結合させることにより、第一の受容体鎖に対する一本鎖抗体を作製する工程

(c) 工程(b)で作製された一本鎖抗体を含む多種特異性抗体を作製する工程

25. 可変領域がリンカーで結ばれている多種特異性抗体が、以下の工程

(a)～(c)を含む方法により作製されることを特徴とする、請求項23に記載の方法。

(a) 第一の受容体鎖に対する一本鎖Fabを作製する工程、

(b) 該一本鎖F a bをF cに結合させることにより、第一の受容体鎖に対する一本鎖抗体を作製する工程、

(c) 工程(b)で作製された一本鎖抗体を含む多種特異性抗体を作製する工程

26. 多種特異性抗体のCH3に、アミノ酸置換によってKnobs-into-holes  
5 が導入されていることを特徴とする、請求項14～25のいずれかに記載の方法。

27. 多量体がヘテロ二量体である、請求項14～26のいずれかに記載の方法。

28. 多種特異性抗体が、二種特異性抗体である、請求項14～27のいずれかに記載の方法。

10 29. 以下の工程(a)～(c)を含むアゴニスト抗体を製造する方法。

(a) 請求項1～28のいずれかに記載の方法により、アゴニスト抗体をスクリーニングする工程、

(b) 工程(a)のスクリーニングにより選択されるアゴニスト抗体をコードする遺伝子を宿主細胞へ導入する工程、

15 (c) 工程(b)の宿主細胞、または該細胞の培養液から、アゴニスト抗体を回収する工程

30. 抗体、および該抗体との結合により多量体化する受容体を発現する細胞であって、該受容体の因子に依存して増殖する細胞。

31. 受容体が、細胞増殖シグナルを発する機能を有するタンパク質とのキメラ受容体である請求項30に記載の細胞。  
20

32. 抗体が多種特異性抗体である請求項30または31に記載の細胞。

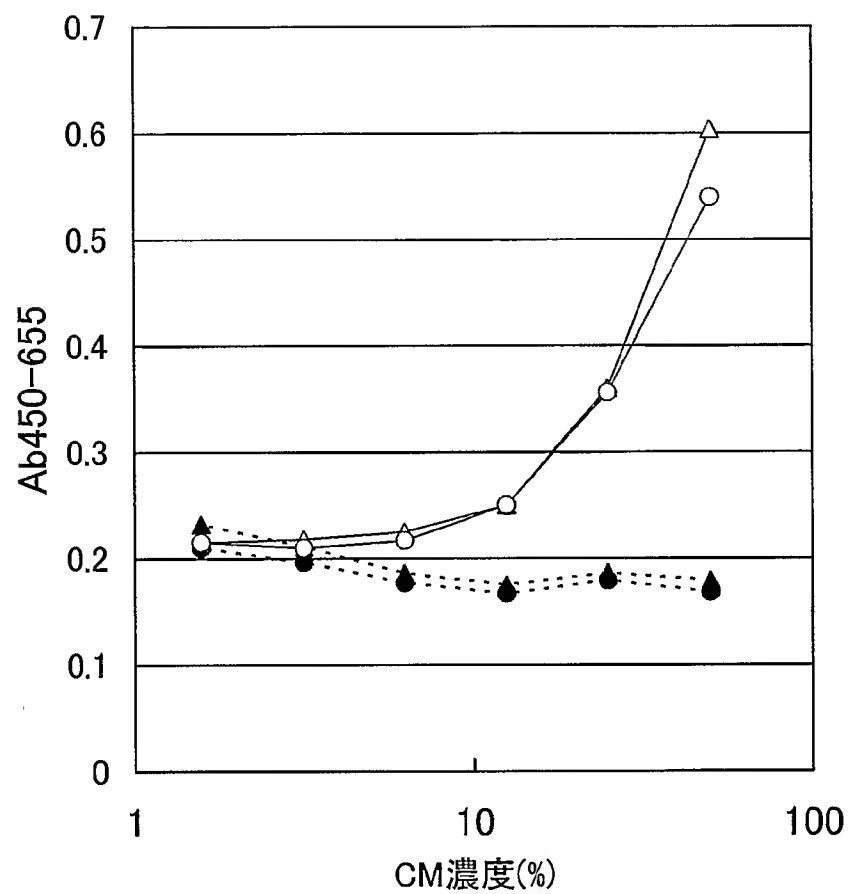
33. 抗体との結合により多量体化した受容体が、細胞増殖シグナルを発する機能を有する、請求項30～32のいずれかに記載の細胞。

34. 抗体の軽鎖と重鎖の可変領域がリンカーで結ばれ、かつ抗体のCH3に、  
25 アミノ酸置換によってKnobs-into-holesが導入されていることを特徴とするアゴニスト多種特異性抗体。



1 / 1

図 1



1 / 7

## SEQUENCE LISTING

<110> CHUGAI SEIYAKU KABUSHIKI KAISHA

<120> Method for screening of agonist bispecific antibody

<130> C1-A0204P

<150> JP 2002-127260

<151> 2002-04-26

<160> 14

<170> PatentIn Ver. 2.0

<210> 1

<211> 45

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> Description of Artificial Sequence:Artificially  
Synthesized Primer Sequence

<400> 1

ggaattcgcc gccaccatgg agtttgggct gagctgggtt ttcct

45

2 / 7

&lt;210&gt; 2

&lt;211&gt; 58

&lt;212&gt; DNA

&lt;213&gt; Artificial Sequence

&lt;220&gt;

<223> Description of Artificial Sequence:Artificially  
Synthesized Primer Sequence

&lt;400&gt; 2

gcatgcatgg ccccgaggc cactcacett tgatctccag cttggtcct ccgccgaa 58

&lt;210&gt; 3

&lt;211&gt; 53

&lt;212&gt; DNA

&lt;213&gt; Artificial Sequence

&lt;220&gt;

<223> Description of Artificial Sequence:Artificially  
Synthesized Primer Sequence

&lt;400&gt; 3

ggcggcggcg gctccggtgg tggatgatcc caggtgcagc tggatgcagtc tgg 53

&lt;210&gt; 4

&lt;211&gt; 54

3 / 7

&lt;212&gt; DNA

&lt;213&gt; Artificial Sequence

&lt;220&gt;

&lt;223&gt; Description of Artificial Sequence:Artificially

Synthesized Primer Sequence

&lt;400&gt; 4

gcatgcatgg ccccgaggc cactcacctg aagagacggt gaccattgtc ctt 54

&lt;210&gt; 5

&lt;211&gt; 60

&lt;212&gt; DNA

&lt;213&gt; Artificial Sequence

&lt;220&gt;

&lt;223&gt; Description of Artificial Sequence:Artificially

Synthesized Primer Sequence

&lt;400&gt; 5

agtcagtcgg cccagccggc catggcggac tacaaagaca tccagatgac ccagtctcct 60

&lt;210&gt; 6

&lt;211&gt; 76

&lt;212&gt; DNA

&lt;213&gt; Artificial Sequence

4 / 7

&lt;220&gt;

<223> Description of Artificial Sequence:Artificially  
Synthesized Primer Sequence

&lt;400&gt; 6

ggagcgcg ccgcccagaac caccaccacc agaaccacca ccaccttga tctccagctt 60  
ggtccctccg ccgaaa 76

&lt;210&gt; 7

&lt;211&gt; 57

&lt;212&gt; DNA

&lt;213&gt; Artificial Sequence

&lt;220&gt;

<223> Description of Artificial Sequence:Artificially  
Synthesized Primer Sequence

&lt;400&gt; 7

tccaattcgg cctcgggggc cagctttctg gggcaggcca ggctgacct tggttt 57

&lt;210&gt; 8

&lt;211&gt; 60

&lt;212&gt; DNA

&lt;213&gt; Artificial Sequence

5 / 7

&lt;220&gt;

<223> Description of Artificial Sequence:Artificially  
Synthesized Primer Sequence

&lt;400&gt; 8

cacggtgggc atgtgtgagt ttgtcacaa gatttgggct caactttctt gtccaccttg 60

&lt;210&gt; 9

&lt;211&gt; 60

&lt;212&gt; DNA

&lt;213&gt; Artificial Sequence

&lt;220&gt;

<223> Description of Artificial Sequence:Artificially  
Synthesized Primer Sequence

&lt;400&gt; 9

caaaactcac acatgcccac cgtgcccgac acctgaactc ctggggggac cgtcagtctt 60

&lt;210&gt; 10

&lt;211&gt; 53

&lt;212&gt; DNA

&lt;213&gt; Artificial Sequence

&lt;220&gt;

&lt;223&gt; Description of Artificial Sequence:Artificially

6 / 7

## Synthesized Primer Sequence

&lt;400&gt; 10

acacctgtgg ttctcggggc tgccctttgg ctttggagat ggttttctcg atg 53

&lt;210&gt; 11

&lt;211&gt; 30

&lt;212&gt; DNA

&lt;213&gt; Artificial Sequence

&lt;220&gt;

&lt;223&gt; Description of Artificial Sequence:Artificially

## Synthesized Primer Sequence

&lt;400&gt; 11

ggcagcccg agaaccacag gtgtacacc 30

&lt;210&gt; 12

&lt;211&gt; 40

&lt;212&gt; DNA

&lt;213&gt; Artificial Sequence

&lt;220&gt;

&lt;223&gt; Description of Artificial Sequence:Artificially

## Synthesized Primer Sequence

7 / 7

&lt;400&gt; 12

tagcgggccgc tcatttacct ggagacaggg agaggctctt

40

&lt;210&gt; 13

&lt;211&gt; 42

&lt;212&gt; DNA

&lt;213&gt; Artificial Sequence

&lt;220&gt;

<223> Description of Artificial Sequence:Artificially  
Synthesized Primer Sequence

&lt;400&gt; 13

cggaattcgg ccggctgggc cagcatcagg agcaggagca gc

42

&lt;210&gt; 14

&lt;211&gt; 37

&lt;212&gt; DNA

&lt;213&gt; Artificial Sequence

&lt;220&gt;

<223> Description of Artificial Sequence:Artificially  
Synthesized Primer Sequence

&lt;400&gt; 14

gcggatccgc cgccaccatg gttcttgcca gctctac

37



## INTERNATIONAL SEARCH REPORT

International application No.

PCT/JP03/05372

## A. CLASSIFICATION OF SUBJECT MATTER

Int.Cl<sup>7</sup> C12N15/00, C07K16/44, C12N5/10, C12P21/08, C12Q1/02,  
G01N33/50, G01N33/15, A61K39/395, A61P25/00, A61P37/00

According to International Patent Classification (IPC) or to both national classification and IPC

## B. FIELDS SEARCHED

Minimum documentation searched (classification system followed by classification symbols)

Int.Cl<sup>7</sup> C12N15/00, C07K16/44, C12N5/10, C12P21/08, C12Q1/02,  
G01N33/50, G01N33/15, A61K39/395, A61P25/00, A61P37/00

Documentation searched other than minimum documentation to the extent that such documents are included in the fields searched

Electronic data base consulted during the international search (name of data base and, where practicable, search terms used)

WPI (DIALOG), BIOSIS (DIALOG), JSTPlus (JOIS), GenBank/EMBL/DDBJ/  
GeneSeq, SwissProt/PIR/GeneSeq

## C. DOCUMENTS CONSIDERED TO BE RELEVANT

Category*	Citation of document, with indication, where appropriate, of the relevant passages	Relevant to claim No.
X Y	WO 99/38008 A1 (Prolifaron, Inc.), 29 July, 1999 (29.07.99)	1-25, 27-33 26, 34
X Y	XIE M.H. et al., Direct demonstration of MuSK involvement in acetylcholine receptor clustering through identification of agonist ScFv. Nature Biotechnology 1997, Vol.15, pages 768 to 771	1-6, 8-18, 20-25, 27-33 7, 19, 26, 34
Y	WO 98/50431 A2 (Genentech, Inc.), 12 November, 1998 (12.11.98), & EP 0979281 A1 & JP 2001-523971 A	26, 34
X	SCOTT W. et al., Activation of Chimeric and Full- length Growth Hormone Receptors by Growth Hormone Receptor Monoclonal Antibodies. J.Biol.Chem. 1998, Vol.273, pages 5307 to 5314	1-7, 26-31, 33

☒ Further documents are listed in the continuation of Box C.
 ☐ See patent family annex.

* Special categories of cited documents:	"T" later document published after the international filing date or priority date and not in conflict with the application but cited to understand the principle or theory underlying the invention
"A" document defining the general state of the art which is not considered to be of particular relevance	"X" document of particular relevance; the claimed invention cannot be considered novel or cannot be considered to involve an inventive step when the document is taken alone
"E" earlier document but published on or after the international filing date	"Y" document of particular relevance; the claimed invention cannot be considered to involve an inventive step when the document is combined with one or more other such documents, such combination being obvious to a person skilled in the art
"L" document which may throw doubts on priority claim(s) or which is cited to establish the publication date of another citation or other special reason (as specified)	"&" document member of the same patent family
"O" document referring to an oral disclosure, use, exhibition or other means	
"P" document published prior to the international filing date but later than the priority date claimed	

Date of the actual completion of the international search  
20 May, 2003 (20.05.03)

Date of mailing of the international search report  
03 June, 2003 (03.06.03),

Name and mailing address of the ISA/  
Japanese Patent Office

Authorized officer

Facsimile No.

Telephone No.

## INTERNATIONAL SEARCH REPORT

International application No.

PCT/JP03/05372

## C (Continuation). DOCUMENTS CONSIDERED TO BE RELEVANT

Category*	Citation of document, with indication, where appropriate, of the relevant passages	Relevant to claim No.
X	TAKAHASHI T. et al., Swapping between Fas and Granulocyte Colony-stimulating Factor Receptor. J.Biol.Chem. 1996, Vol.271, No.29, pages 17555 to 17560	1-7, 29-31, 33
A	SHNEIDER H. et al., Homodimerization of erythropoietin receptor by a bivalent monoclonal antibody triggers cell proliferation and differentiation of erithroid precursors. Proc. Natl.Acad.Sci. USA 1977, Vol.89, No.2, pages 473 to 482	1-34
A	PRAT M. et al., Agonistic monoclonal antibodies against the Met receptor dissect the biological responses to HGF. Journal of Cell Science 1998, Vol.111, No.2, pages 237 to 247	1-34

国際調査報告		国際出願番号 PCT/JPO3/05372													
<p>A. 発明の属する分野の分類 (国際特許分類 (IPC))</p> <p>Int. Cl<sup>7</sup> C12N 15/00, C07K 16/44, C12N 5/10, C12P 21/08, C12Q 1/02, G01N 33/50, G01N 33/15, A61K 39/395, A61P 25/00, A61P 37/00</p>															
<p>B. 調査を行った分野</p> <p>調査を行った最小限資料 (国際特許分類 (IPC))</p> <p>Int. Cl<sup>7</sup> C12N 15/00, C07K 16/44, C12N 5/10, C12P 21/08, C12Q 1/02, G01N 33/50, G01N 33/15, A61K 39/395, A61P 25/00, A61P 37/00</p>															
<p>最小限資料以外の資料で調査を行った分野に含まれるもの</p>															
<p>国際調査で使用した電子データベース (データベースの名称、調査に使用した用語)</p> <p>WPI (DIALOG), BIOSIS (DIALOG), JSTPlus (JOIS), GenBank/EMBL/DDBJ/GeneSeq, SwissProt/PIR/GeneSeq</p>															
<p>C. 関連すると認められる文献</p> <table border="1" style="width: 100%; border-collapse: collapse;"> <thead> <tr> <th style="width: 10%;">引用文献の カテゴリー*</th> <th style="width: 70%;">引用文献名 及び一部の箇所が関連するときは、その関連する箇所の表示</th> <th style="width: 20%;">関連する 請求の範囲の番号</th> </tr> </thead> <tbody> <tr> <td>X/Y</td> <td>WO 99/38008 A1 (Prolifaron, Inc.) 1999.07.29</td> <td>1-25, 27-33/ 26, 34</td> </tr> <tr> <td>X/Y</td> <td>XIE M.H. et al, Direct demonstration of MuSK involvement in acetylcholine receptor clustering through identification of agonist ScFv. Nature Biotechnology 1997, Vol. 15, p. 768-771</td> <td>1-6, 8-18, 20- 25, 27-33/ 7, 19, 26, 34</td> </tr> <tr> <td>Y</td> <td>WO 98/50431 A2 (Genentech, Inc.) 1998.11.12 &amp; EP 0979281 A1 &amp; JP 2001-523971 A</td> <td>26, 34</td> </tr> </tbody> </table>				引用文献の カテゴリー*	引用文献名 及び一部の箇所が関連するときは、その関連する箇所の表示	関連する 請求の範囲の番号	X/Y	WO 99/38008 A1 (Prolifaron, Inc.) 1999.07.29	1-25, 27-33/ 26, 34	X/Y	XIE M.H. et al, Direct demonstration of MuSK involvement in acetylcholine receptor clustering through identification of agonist ScFv. Nature Biotechnology 1997, Vol. 15, p. 768-771	1-6, 8-18, 20- 25, 27-33/ 7, 19, 26, 34	Y	WO 98/50431 A2 (Genentech, Inc.) 1998.11.12 & EP 0979281 A1 & JP 2001-523971 A	26, 34
引用文献の カテゴリー*	引用文献名 及び一部の箇所が関連するときは、その関連する箇所の表示	関連する 請求の範囲の番号													
X/Y	WO 99/38008 A1 (Prolifaron, Inc.) 1999.07.29	1-25, 27-33/ 26, 34													
X/Y	XIE M.H. et al, Direct demonstration of MuSK involvement in acetylcholine receptor clustering through identification of agonist ScFv. Nature Biotechnology 1997, Vol. 15, p. 768-771	1-6, 8-18, 20- 25, 27-33/ 7, 19, 26, 34													
Y	WO 98/50431 A2 (Genentech, Inc.) 1998.11.12 & EP 0979281 A1 & JP 2001-523971 A	26, 34													
<input checked="" type="checkbox"/> C欄の続きにも文献が列挙されている。		<input type="checkbox"/> パテントファミリーに関する別紙を参照。													
<p>* 引用文献のカテゴリー</p> <p>「A」 特に関連のある文献ではなく、一般的技術水準を示すもの</p> <p>「E」 国際出願日前の出願または特許であるが、国際出願日以後に公表されたもの</p> <p>「L」 優先権主張に疑義を提起する文献又は他の文献の発行日若しくは他の特別な理由を確立するために引用する文献 (理由を付す)</p> <p>「O」 口頭による開示、使用、展示等に言及する文献</p> <p>「P」 国際出願日前で、かつ優先権の主張の基礎となる出願</p>		<p>の日の後に公表された文献</p> <p>「T」 国際出願日又は優先日後に公表された文献であって出願と矛盾するものではなく、発明の原理又は理論の理解のために引用するもの</p> <p>「X」 特に関連のある文献であって、当該文献のみで発明の新規性又は進歩性がないと考えられるもの</p> <p>「Y」 特に関連のある文献であって、当該文献と他の1以上の文献との、当業者にとって自明である組合せによって進歩性がないと考えられるもの</p> <p>「&amp;」 同一パテントファミリー文献</p>													
<p>国際調査を完了した日</p> <p style="text-align: center;">20.05.03</p>		<p>国際調査報告の発送日</p> <p style="text-align: center;">03.06.03</p>													
<p>国際調査機関の名称及びあて先</p> <p style="text-align: center;">日本国特許庁 (ISA/JP) 郵便番号100-8915 東京都千代田区霞が関三丁目4番3号</p>		<p>特許庁審査官 (権限のある職員)</p> <p style="text-align: center;">富永 みどり (印)</p> <p>4N 9152</p> <p>電話番号 03-3581-1101 内線 3448</p>													

C (続き) . 関連すると認められる文献		
引用文献の カテゴリー*	引用文献名 及び一部の箇所が関連するときは、その関連する箇所の表示	関連する 請求の範囲の番号
X	SCOTT W. et al, Activation of Chimeric and Full-length Growth Hormone Receptors by Growth Hormone Receptor Monoclonal Antibodies. J. Biol. Chem. 1998, Vol. 273, p. 5307-5314	1-7, 29-31, 33
X	TAKAHASHI T. et al, Swapping between Fas and Granulocyte Colony-stimulating Factor Receptor. J. Biol. Chem. 1996, Vol. 271, No. 29, p. 17555-17560	1-7, 29-31, 33
A	SHNEIDER H. et al, Homodimerization of erythropoietin receptor by a bivalent monoclonal antibody triggers cell proliferation and differentiation of erithroid precursors. Proc. Natl. Acad. Sci. USA 1977, Vol. 89, No. 2, p. 473-482	1-34
A	PRAT M. et al, Agonistic monoclonal antibodies against the Met receptor dissect the biological responses to HGF. Journal of Cell Science 1998, Vol. 111, No. 2, p. 237-247	1-34